

Rencontres Bioinformatiques du MNHN 2025

vendredi 12 décembre, Auditorium de la Grande Galerie de l'Evolution
bioinfomnhn2025.sciencesconf.org



PROGRAMME

10h00-10h10: Accueil et mots d'ouverture

Session 1 (modération M. Cariou)

- 10h10-10h30 **Visotheary Ung** [UMR 7205 \(ISYEB\)](#) The Biodiversity Information Standards (TDWG): a social and conceptual infrastructure for integrating bio and geodiversity information
- 10h30-10h50 **Liliana Ballesteros-Mejia** [DGD REVE](#) GenRef: vers la mise en place d'un référentiel national de séquences génétiques pour l'identification des espèces en appui à la recherche et aux politiques publiques en France.
- 10h50-11h10 **Boris Leroy** [UMR 8067 \(BOREA\)](#) Applications R Shiny au Muséum

11h10-11h30 : PAUSE

Session 2 (modération J. Abdelkrim)

- 11h30-11h50 **Egan Coailinn** [UMR 7206 \(EA\)](#) Utilisation de SLiM dans le contexte de l'Approximate Bayesian Computation pour étudier des histoires complexes de métissage génétique
- 11h50-12h10 **Guillaume Sapriel** [UMR 7205 \(ISYEB\)](#) Clustered Heatmap Profiling : a naturalistic methodology revealing the anatomy of large data collections
- 12h10-12h30 **Pauline Seguineau** [UAR 2047 \(DoHNEE\)](#) Galaxy Ecology : des sciences participatives à la production automatisée de métriques et d'indicateurs de biodiversité

12h30-14h00 : PAUSE Déjeuner

Session 3 (modération M. Carpentier)

- 14h00-14h20 **Lucrèce Matheron-Duriez** [UAR 2769, SU](#) Présentation de la communauté Bioinfo@ASU
- 14h20-14h40 **Karim Benzerara** [UMR 7590 \(IMPMC\)](#) Analyse de données génomiques, incluant sa « matière noire », pour l'étude des processus microbiens de biométhanisation
- 14h40-15h00 **Lou Mary** [UMR 7245 \(MCAM\)](#) Specific features of Paralytic Shellfish Toxin (PST) production in dinoflagellates
- 15h00-15h20 **Molène Mahé** [UMR 7205 \(ISYEB\)](#) Automatisation du traitement de données de séquençage de pool d'ampliscons

15h20-15h40 : PAUSE

Session 4 (modération T. Tchilinguirian)

- 15h40-16h00 **Sophie Pasek** [UMR 7205 \(ISYEB\)](#) Suivi d'insectes pollinisateurs en milieu forestier par des méthodes non invasives : ADNe et métabarcoding à partir de fleurs, caméras-pièges et détection par IA
- 16h00-16h20 **Hugo Magaldi** [UMR 7206 \(EA\)](#) DeepForestVision : l'apprentissage profond pour l'identification automatique de la faune des forêts tropicales africaines sur pièges caméras
- 16h20-16h40 **Arthur Barreau** [UMR 7205 \(ISYEB\)](#) Computer Vision pour l'analyse de la faune marine dans les flaques côtières de Bretagne
- 16h40-17h00 **Ancheng Peng** [UMR 7205 \(ISYEB\)](#) Morphological feature extraction based on a self-supervised deep learning framework to accelerate downstream biological evolution analyses

Organisation: Jawad Abdelkrim, Marie Cariou, Mathilde Carpentier, Pilar Rodriguez, Tristan Tchilinguirian